

**Tabell 1: Oversikt over undersøkte fusjoner ved RNA-basert NGS-analyse på myeloidpanel vha. AmpliSeq fra Illumina**

Fusjoner som inkluderer følgende gener er undersøkt									
<i>ABL1</i>	<i>ALK</i>	<i>BCL2</i>	<i>BRAF</i>	<i>CCND1</i>	<i>CREBBP</i>	<i>EGFR</i>	<i>ETV6</i>	<i>FGFR1</i>	<i>FGFR2</i>
<i>FUS</i>	<i>HMGA2</i>	<i>JAK2</i>	<i>KMT2A (MLL)</i>	<i>MECOM</i>	<i>MET</i>	<i>MLLT10</i>	<i>MLLT3</i>	<i>MYBL1</i>	<i>MYH11</i>
<i>NTRK3</i>	<i>NUP214</i>	<i>PDGFRA</i>	<i>PDGFRB</i>	<i>RARA</i>	<i>RBM15</i>	<i>RUNX1</i>	<i>TCF3</i>	<i>TFE3</i>	