

Tabell 1: Oversikt over undersøkte gener ved DNA-basert NGS-analyse på myeloidpanel vha. AmpliSeq fra Illumina

Hotspot områder undersøkt i følgende gener									
<i>ABL1</i>	<i>BRAF</i>	<i>CBL</i>	<i>CSF3R</i>	<i>DNMT3A</i>	<i>FLT3</i>	<i>GATA2</i>	<i>HRAS</i>	<i>IDH1</i>	<i>IDH2</i>
<i>JAK2</i>	<i>KIT</i>	<i>KRAS</i>	<i>MPL</i>	<i>MYD88</i>	<i>NPM1</i>	<i>NRAS</i>	<i>PTPN11</i>	<i>SETBP1</i>	<i>SF3B1</i>
<i>SRSF2</i>	<i>U2AF1</i>	<i>WT1</i>							

Alle eksoner og tilhørende spleiseseter undersøkt i følgende gener									
<i>ASXL1</i>	<i>BCOR</i>	<i>CALR</i>	<i>CEBPA</i>	<i>ETV6</i>	<i>EZH2</i>	<i>IKZF1</i>	<i>NF1</i>	<i>PHF6</i>	<i>PRPF8</i>
<i>RB1</i>	<i>RUNX1</i>	<i>SH2B3</i>	<i>STAG2</i>	<i>TET2</i>	<i>TP53</i>	<i>ZRSR2</i>			